



Albert C. Ludolph

Kontakt

Albert C. Ludolph
Germany

Publikationen (7)

Megat S, Mora N, Sanogo J, Roman O, Catanese A, Alami N, Freischmidt A, Mingaj X, De Calbiac H, Muratet F, Dirrig-Grosch S, Dieterle S, Van Bakel N, Müller K, Sieverding K, Weishaupt J, Andersen P, Weber M, Neuwirth C, Margelisch M, Sommacal A, van Eijk K, Veldink J, PROJECT MINE ALS SEQUENCING CONSORTIUM, Lautrette G, Couratier P, Camuzat A, Le Ber I, Grassano M, Chio A, Boeckers T, Ludolph A, Roselli F, Yilmazer-Hanke D, Millecamps S, Kabashi E, Storkebaum E, Sellier C, Dupuis L. Author Correction: Integrative genetic analysis illuminates ALS heritability and identifies risk genes. *Nat Commun* 2023; 14:8026.

Petri S, Grehl T, Grosskreutz J, Hecht M, Hermann A, Jesse S, Lingor P, Löscher W, Maier A, Schoser B, Weber M, Ludolph A. Guideline "Motor neuron diseases" of the German Society of Neurology (Deutsche Gesellschaft für Neurologie). *Neurol Res Pract* 2023; 5:25.

Megat S, Mora N, Sanogo J, Roman O, Catanese A, Alami N, Freischmidt A, Mingaj X, De Calbiac H, Muratet F, Dirrig-Grosch S, Dieterle S, Van Bakel N, Müller K, Sieverding K, Weishaupt J, Andersen P, Weber M, Neuwirth C, Margelisch M, Sommacal A, van Eijk K, Veldink J, PROJECT MINE ALS SEQUENCING CONSORTIUM, Lautrette G, Couratier P, Camuzat A, Le Ber I, Grassano M, Chio A, Boeckers T, Ludolph A, Roselli F, Yilmazer-Hanke D, Millecamps S, Kabashi E, Storkebaum E, Sellier C, Dupuis L. Integrative genetic analysis illuminates ALS heritability and identifies risk genes. *Nat Commun* 2023; 14:342.

van Rheenen W, van der Spek R, Bakker M, Farei-Campagna J, Hop P, Zwamborn R, de Klein N, Westra H, Bakker O, Deelen P, Shireby G, Hannon E, Moisse M, Baird D, Restuadi R, Dolzhenko E, Dekker A, Gawor K, Westeneng H, Tazelaar G, van Eijk K, Kooyman M, Byrne R, Doherty M, Heverin M, Al Khleifat A, Iacoangeli A, Shatunov A, Ticozzi N, Cooper-Knock J, Smith B, Gromicho M, Chandran S, Pal S, Morrison K, Openshaw P, Hardy J, Orrell R, Sendtner M, Meyer T, Başak N, van der Kooi A, Ratti A, Fogh I, Gellera C, Lauria G, Corti S, Cereda C, Sproviero D, D'Alfonso S, Sorarù G, Siciliano G, Filosto M, Padovani A, Chio A, Calvo A, Moglia C, Brunetti M, Canosa A, Grassano M, Beghi E, Pupillo E, Logroscino G, Nefussy B, Osmanovic A, Nordin A, Lerner Y, Zabari M, Gotkine M, Baloh R, Bell S, Vourc'h P, Corcia P, Couratier P, Millecamps S, Meininger V, Salachas F, Mora J, Assialioui A, Rojas-García R, Dion P, Ross J, Ludolph A, Weishaupt J, Brenner D, Freischmidt A, Bensimon G, Brice A, Dürr A, Payan C, Saker-Delye S, Wood N, Topp S, Rademakers R, Tittmann L, Lieb W, Klein-Franke A, Ripke S, Braun A, Kraft J, Whiteman D, Olsen C, Uitterlinden A, Hofman A, Rietschel M, Cichon S, Nöthen M, Amouyel P, SLALOM Consortium, PARALS Consortium, SLAGEN Consortium, SLAP Consortium, Traynor B, Singleton A, Mitne Neto M, Cauchi R, Ophoff R, Wiedau-Pazos M, Lomen-Hoerth C, Van Deerlin V, Grosskreutz J, Roediger A, Gaur N, Jörk A, Barthel T, Theele E, Ilse B, Stubendorff B, Witte O, Steinbach R, Hübner C, Graff C, Brylev L, Fominykh V, Demeshonok V, Ataulina A, Rogelj B, Koritnik B, Zidar J, Ravnik-Glavač M, Glavač D, Stević Z, Drory V, Povedano M, Blair I, Kiernan M, Benjamin B, Henderson R, Furlong S, Mathers S, McCombe P, Needham M, Ngo S, Nicholson G, Pamphlett R, Rowe D, Steyn F, Williams K, Mather K, Sachdev P, Henders A, Wallace L, de Carvalho M, Pinto S, Petri S, Weber M, Rouleau G, Silani V, Curtis C, Breen G, Glass J, Brown R, Landers J, Shaw C, Andersen P, Groen E, van Es M, Pasterkamp R, Fan D, Garton F, McRae A, Davey Smith G, Gaunt T, Eberle M, Mill J, McLaughlin R, Hardiman O, Kenna K, Wray N, Tsai E, Runz H, Franke L, Al-Chalabi A, Van Damme P, van den Berg L, Veldink J. Common and rare variant association analyses in amyotrophic lateral sclerosis identify 15 risk loci with distinct genetic architectures and neuron-specific biology. *Nat Genet* 2021; 53:1636-1648.

Felbecker A, Camu W, Valdmanis P, Sperfeld A, Weibel S, Steinbach P, Rouleau G, Ludolph A, Andersen P. Four familial ALS pedigrees discordant for two SOD1 mutations: are all SOD1 mutations pathogenic?. *J Neurol Neurosurg Psychiatry* 2010; 81:572-577.

Felbecker A, Winter S, Kassubek J, Ludolph A, Steinbach P, Sperfeld A (2007). Polymorphismus des Kupfer/Zink Superoxid Dismutase (SOD1) Gens in einer Familie mit familiärer ALS. Präsentiert bei: Jahrestagung der Deutschen Gesellschaft für Neurologie (DGN) 2007, Berlin

Fink B, Felbecker A, Dorst J, Gdynia H, Sperfeld A, Ludolph A, Kühnlein P (2007). Effektivität der nichtinvasiven intermittierenden Maskenheimbeatmung bei Patienten mit amyotropher Lateralsklerose – Ergebnisse der Ulmer Heimbeatmungsdatenbank. Präsentiert bei: Jahrestagung der Deutschen Gesellschaft für Neurologie (DGN), Berlin

Projekte (0)

Keine Resultate gefunden.

Kantonsspital St.Gallen

Rorschacher Strasse 95

CH-9007 St.Gallen

T: +41 71 494 11 11

support.forschung@kssg.ch