



Andrew J Schork

Kontakt

Andrew J Schork

Publikationen (2)

Rahmioglu N, Mortlock S, Ghiasi M, Møller P, Stefansdottir L, Galarneau G, Turman C, Danning R, Law M, Sapkota Y, Christofidou P, Skarp S, Giri A, Banasik K, Krassowski M, Lepamets M, Marciniak B, Nõukas M, Perro D, Sliz E, Sobalska-Kwapis M, Thorleifsson G, Topbas-Selcuki N, Vitonis A, Westergaard D, Arnadottir R, Burgdorf K, Campbell A, Cheuk C, Clementi C, Cook J, De Vivo I, DiVasta A, Dorien O, Donoghue J, Edwards T, Fontanillas P, Fung J, Geirsson R, Girling J, Harkki P, Harris H, Healey M, Heikinheimo O, Holdsworth-Carson S, Hostettler I, Houlden H, Houshdaran S, Irwin J, Jarvelin M, Kamatani Y, Kennedy S, Kepka E, Kettunen J, Kubo M, Kulig B, Kurra V, Laivuori H, Laufer M, Lindgren C, MacGregor S, Mangino M, Martin N, Matalliotaki C, Matalliotakis M, Murray A, Ndungu A, Nezhat C, Olsen C, Opoku-Anane J, Padmanabhan S, Paranjpe M, Peters M, Polak G, Porteous D, Rabban J, Rexrode K, Romanowicz H, Saare M, Saavalainen L, Schork A, Sen S, Shafrir A, Siewierska-Górska A, Stomka M, Smith B, Smolarz B, Szaflik T, Szyłko K, Takahashi A, Terry K, Tomasetti C, Treloar S, Vanhie A, Vincent K, Vo K, Werring D, Zeggini E, Zervou M, DBDS Genomic Consortium, FinnGen Study, FinnGen Endometriosis Taskforce, Celmatix Research Team, 23andMe Research Team, Adachi S, Buring J, Ridker P, D'Hooghe T, Goulielmos G, Hapangama D, Hayward C, Horne A, Low S, Martikainen H, Chasman D, Rogers P, Saunders P, Sirota M, Spector T, Strapagiel D, Tung J, Whiteman D, Giudice L, Velez Edwards D, Uimari O, Kraft P, Salumets A, Nyholt D, Mägi R, Stefansson K, Becker C, Yurttas-Beim P, Steinhorsdottir V, Nyegaard M, Missmer S, Montgomery G, Morris A, Zondervan K. The genetic basis of endometriosis and comorbidity with other pain and inflammatory conditions. *Nat Genet* 2023; 55:423–436.

Thomsen I, Vatn M, Silverberg M, Duerr R, Padyukov L, Brand S, Sans M, Annese V, Achkar J, Melum E, Durie P, Sandford R, Mayr G, König I, Hveem K, Cleynen I, Gutierrez-Achury J, Ricaño-Ponce I, van Heel D, Björnsson E, Boberg K, Marschall H, Schreiber S, Manns M, Färkkilä M, Dale A, Chapman R, Lazaridis K, Franke A, Anderson C, Cho J, Bergquist A, Alexander G, Chazouillères O, Bowlus C, Wijmenga C, Schrumpf E, Vermeire S, Albrecht M, Rioux J, Karlsen T, Næss S, Liu J, Gotthardt D, Pares A, Ellinghaus D, Shah T, Juran B, Milkiewicz P, Rust C, Schramm C, Hirschfield G, Invernizzi P, Eksteen B, Hov J, Folseraas T, Ellinghaus E, Rushbrook S, Doncheva N, Andreassen O, Weersma R, Weismüller T, Müller T, Srivastava B, Saarela J, Leppa V, Dorfman R, Alvaro D, Floreani A, Onengut-Gumuscu S, Rich S, Thompson W, Mason A, Teufel A, Sterneck M, Dalekos G, Nöthen M, Herms S, Winkelmann J, Mitrovic M, Braun F, Ponsioen C, Croucher P, Schork A. Dense genotyping of immune-related disease regions identifies nine new risk loci for primary sclerosing cholangitis. *Nat Genet* 2013; 45:670–5.

Projekte (0)

Keine Resultate gefunden.

Kantonsspital St.Gallen

Rorschacher Strasse 95

CH-9007 St.Gallen

T: +41 71 494 11 11

support.forschung@kssg.ch