



Jean-François Dartigues

Kontakt

Jean-François Dartigues

Publikationen (2)

Knol M, Poot R, Evans T, Satizabal C, Mishra A, Sargurupremraj M, van der Auwera S, Duperron M, Jian X, Hostettler I, van Dam-Nolen D, Lamballais S, Pawlak M, Lewis C, Carrion-Castillo A, van Erp T, Reinbold C, Shin J, Scholz M, Håberg A, Kämpe A, Li G, Avinun R, Atkins J, Hsu F, Amod A, Lam M, Tsuchida A, Teunissen M, Aygün N, Patel Y, Liang D, Beiser A, Beyer F, Bis J, Bos D, Bryan R, Bülow R, Caspers S, Catheline G, Cecil C, Dalvie S, Dartigues J, DeCarli C, Enlund-Cerullo M, Ford J, Franke B, Freedman B, Friedrich N, Green M, Haworth S, Helmer C, Hoffmann P, Homuth G, Ikram M, Jack C, Jahanshad N, Jockwitz C, Kamatani Y, Knodt A, Li S, Lim K, Longstreth W, Macciardi F, Cohorts for Heart and Aging Research in Genomic Epidemiology (CHARGE) Consortium, Enhancing Neuroimaging Genetics through Meta-Analysis (ENIGMA) Consortium, Mäkitie O, Mazoyer B, Medland S, Miyamoto S, Moebus S, Mosley T, Muetzel R, Mühleisen T, Nagata M, Nakahara S, Palmer N, Pausova Z, Preda A, Quidé Y, Reay W, Roshchupkin G, Schmidt R, Schreiner P, Setoh K, Shapland C, Sidney S, St Pourcain B, Stein J, Tabara Y, Teumer A, Uhlmann A, van der Lugt A, Vernooij M, Werring D, Windham B, Witte A, Wittfeld K, Yang Q, Yoshida K, Brunner H, Le Grand Q, Sim K, Stein D, Bowden D, Cairns M, Hariri A, Cheung C, Andersson S, Villringer A, Paus T, Cichon S, Calhoun V, Crivello F, Launer L, White T, Koudstaal P, Houlden H, Fornage M, Matsuda F, Grabe H, Dobbie S, Thompson P, Seshadri S, Adams H. Genetic variants for head size share genes and pathways with cancer. *Cell Rep Med* 2024;101529.

Zhang K, Arcuti S, Brunetti M, Moglia C, Calvo A, Ratti A, Tiloca C, Gellera C, Pensato V, Mazzini L, Capozzo R, Zecca C, Blair I, Stuit R, Muller B, Filosto M, Padovani A, Riva N, Penco S, Lunetta C, Sorarù G, Bertolin C, Blauw H, Curtis C, Hofman A, Estrada K, Rivadeneira F, Uitterlinden A, Dartigues J, Tzourio C, Amouyel P, van der Kooij A, de Visser M, D'Alfonso S, Comi G, Del Bo R, Cereda C, Pansarasa O, Smith B, Shaw C, Weber M, Goris A, Nöthen M, McCann E, Veldink J, Corcia P, Andersen P, Hardiman O, Landers J, Glass J, Brown R, Pers T, Franke L, Van Damme P, Vourc'h P, Silani V, van den Berg L, Al-Chalabi A, Breen G, Lewis C, Pasterkamp R, van Es M, de Bakker P, Visscher P, Wray N, Robberecht W, Weishaupt J, Stubendorff B, Prell T, Ringer T, Witte O, Grosskreutz J, Kiernan M, Pamphlett R, Rowe D, Nicholson G, Kurth I, Hübner C, Ludolph A, Powell J, Logroscino G, Tortelli R, Pupillo E, Beghi E, Chio A, Casale F, Leigh P, Fifita J, Chandran S, Koritnik B, Ravník-Glavač M, Vrabec K, Rogelj B, Lin K, Ticozzi N, Vajda A, Menelaou A, Medic J, Zidar J, Leonardi L, Polak M, Rojas-García R, Mora J, Pinto S, de Carvalho M, Meininger V, Salachas F, Millecamps S, Grošelj L, Brands W, Schellevis R, Robinson M, de Jong S, Vösa U, van der Spek R, Pulit S, Diekstra F, McLaughlin R, Dekker A, Shatunov A, Yang J, Fogh I, Harschnitz O, van Eijk K, Kenna K, Jones A, Sproviero W, Blokhuis A, Koppers M, Tazelaar G, van Doormaal P, van Rheenen W, Colville S, Cichon S, Maurel C, Andres C, Radivojkov-Blagojevic M, Lichtner P, Meitinger T, Parman Y, Hamzeiy H, Tunca C, Basak A, Bensimon G, Landwehrmeyer B, Rietschel M, Franke A, Lieb W, Tittmann L, Wood N, Dürr A, Saker-Delye S, Payan C, Brice A, McCluskey L, Elman L, Topp S, Malaspina A, Fratta P, Sidle K, Pittman A, Orrell R, Hardy J, Shaw P, Morrison K, Petri S, Abdulla S, Trojanowski J, Van Deerlin V, Lomen-Hoerth C, Wiedau-Pazos M, Staats K, Ophoff R, Meyer T, Sendtner M, Drepper C, Swingle R. Genome-wide association analyses identify new risk variants and the genetic architecture of amyotrophic lateral sclerosis. *Nat Genet* 2016; 48:1043–8.

Projekte (0)

Keine Resultate gefunden.

Kantonsspital St.Gallen

Rorschacher Strasse 95

CH-9007 St.Gallen

T: +41 71 494 11 11

support.forschung@kssg.ch